A. VILA , J.-L. GARCIA-MARIN , F. UTTER et G. PLA

Laboratori d'Ictiologia, Estudi General de Girona (U.A.B.), Placa Hospital 6, 17071 Girona (Espana)

INTRODUCTION. L'identification des individus et populations est une nécessité très général dans la gestion piscicole et dans la recherche biologique. Cependant, cette identification nécessite des marqueurs adéquats. Généralement, les espèces peuvent être différenciées par des caractéristiques morphologiques, mais en ce qui concerne une espèce par ces méthodes, l'identification dividus qui peuvent arriverà constituer des populations différenciées ou des stocks, est difficilement possible, en

peuvent arriverà constituer des populations différenciées ou des stocks, est difficilement possible, en général, et quelquefois impossible. Précisément, la difficulté pour pouvoir identifier des stocks différents d'une espèce précise représente, actuellement, l'un des problemès les plus importants qu'atfrontent les programmes de gestion piscicole (Allendorf et al. 1987). La recherche de caractères génétiques qui puissent servir comme marqueurs pour des groupes génétiquement distincts et une connaissance adéquate de leur structure populatoire, représentent un exemple des données qui peuvent être utilisées pour les études différentielles de poissons. La plus grande partie de l'information génétique obtenue dans ce sens, a été fournie par l'analyse de la variation enzymatique détectée par electrophorèse (Ulter 1987).
Ce travail présente les valeurs des fréquences géniques du locus GAPDH-1, obtenues à partir de l'analyse de la variatibilité génétique étudiée dans diverses populations naturelles atlantiques et médiferranéennes de Merluccius merluccius, ainsi que son application en tant que marqueur génétique différentiel des dites espèces. M.merluccius se trouve dans l'Atlantique Nord et en Méditerranée. Det espèce se distribue depuis les côtes de Norvège jusqu'à la côte Nord du Marco et depuis la mer Noire jusqu'au détroit de Gibrattar. Il s'agit d'une des resources en pêche de grande valeur économique pour certains pays méditerranéens et il génère d'importantes zones de pêche aussi bien dans l'Atlantique qu'en Méditerranée. certains pays médite qu'en Meéditerranée.

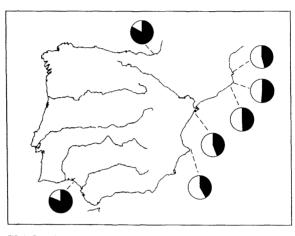


FIG. 1 : Proportions de chacun des deux allèles du locus GAPDH-1 dans les diverses localités échantillonnées

MÉTHODOLOGIE. Pour ce travail on a examiné 285 individus de cinq localités méditerranéennes et 123 de deux atlantiques. Les échantillons pris sur des merlu d'une longuer moyenne de 20 cm ont été conservés à -70°C jusqu'à l'analyse électrophorétique.

RESULTATS. On a détecté 31 loci codifiants pour 17 enzymes. Dix de ces loci ont montré une variation génétique bien que seulement 5 de ceux-ci peuvent être considérés polymorphiques au niveau de 5%. On n'a pas observé d'hétérogénétié pour les fréquences alleliques entre les cinq populations de la de 5%. On n'a pas observé d'hétérogénéité pour les fréquences alleliques entre les cinq populations de un Méditerranée ni entre les deux de l'Atlantique. Par contre le degré d'hétérogénéité entre les échantillons de l'Atlantique et de la Méditerranée est grand pour tous les loci sauf GPI-1 (GAPDH-1, x²=88.433, d.d.l.=1, p<0.05; G3PDH-1, x²=88.8433, d.d.l.=1, p<0.05; GPI-1, x²=1.363, d.d.l.=2, p>0.05; GPI-2, x²=1.363, d.d.l.=2, p>0.05; GPI-3, x²=1.363, d.d.l.l.=2, p>0.05; GPI-3, x²=1.363, d.d.l.l.l.l.l échantillonnées

DISCUSSION. Des travaux réalisés sur diverses espèces de Merluccius ont montré une grande uniformité entre les divers échantillonages analysés dans une même zone (Mangaly et Jamieson, 1978; Grant et al., 1988). Cependant, Pla et al. (1990) on trouvé une grande différentiation génétique entre les populations méditerranéennes et atlantiques, supérieure à n'importe quelle autre décrite pour cette espèce, provoquée par la fréquence du locus GAPDH-1. Ce qui nous a mené donc à confirmer dans ce cas, l'existence de deux populations bien différenciées quant au merlu du Nord de l'Atlantique: l'Atlantique même et la Méditerranéenne. Le comportement du locus GAPDH-1, est donc intéressant et importan par sa fréquence qui ne varie pas de manière significative entre les 2 populations si éloignées de l'Atlantique, ni parmi les 5 populations méditerranéennes, mais si que cette fréquence serait caractéristique et trés différentie entre ces 2 zones. Ces résultats sont en accord avec la différentier morphologique décrite précédemment entre espèces de ces deux zones (Cadenat 1952). Ce comportement clair que présente le locus GAPDH-1 nous a amené à en déduire que nous pouvons prendre ce comportement comme un type de marqueur génétique pour différencier les populations de ces deux zones.

RÉFÉRENCES.

ALLENDORF, F.; RYMAN, N. et UTTER, F., 1987. Genetics and Fishery Management: Past, Present, and Future. In: Population Genetics and Fishery Management, N. Ryman and F. Utter (eds.), University of Washington

2-15

28: 2-15.

GRANT, S.W., BECKER, I.I. et LESLIE, R.W., 1988. Evolutionary divergence between sympatric species of southern African hakes, Merluccius capensis and merluccius paradoxus. I. Electrophoretic analysis of proteins. Heredity 61: 13-20.

MANGALY, G. et JAMIESON, A., 1978. Genetics tags applied to the European hake, Merluccius merluccius (L.). Anim. Blood Grps biochem. Genet. 9: 39-48.

PLA, C.; GARCIA-MARIN, J.L. et VILA, A., 1990. Utilisation des méthodes génétiques comme instrument de gestion piscicole. Bull. Soc. Zoo. de France, 1.1 4 (3).

UTTER, F., 1987. Protein electrophoresis and stock identification in fishes. In: Proceedings Stock Identification Workshop, H.E. Kumpf, F.N. Vaught, C.B. Grimes, A.G. Johnson and E.L. Nakamura (eds.), U.S. Dep. Commerce, NOAA Tech. Memo. NMFS-SEFC-199: 62-103.